

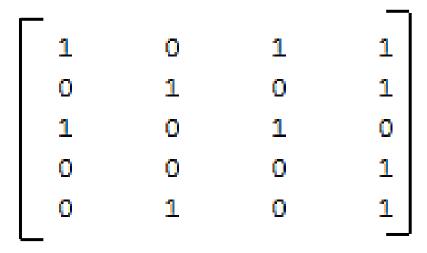




Modelli compartimentali e farmacocinetica

carmelo.demaria@centropiaggio.unipi.it

⁺ Domanda

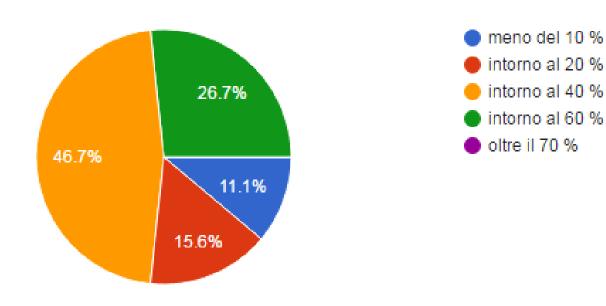




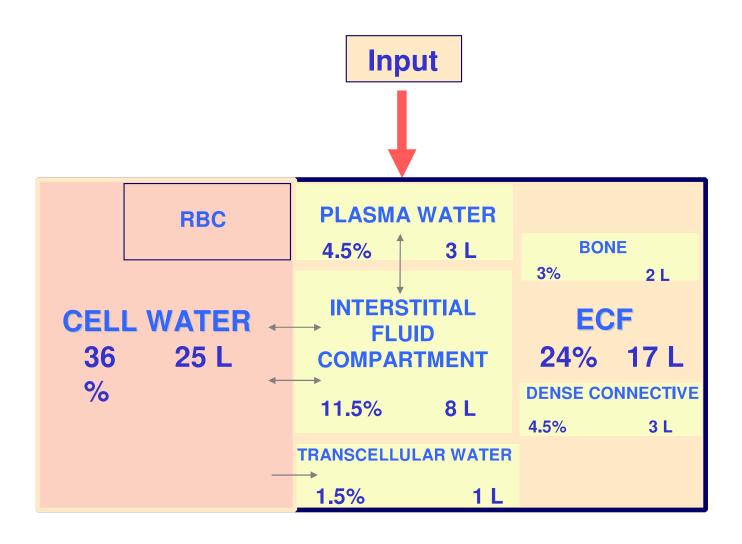
http://goo.gl/forms/yvwxiWDfcQ

+

La percentuale di acqua intracellulare rispetto a tutti i fluidi corporei è



⁺ Distribuzione dell'acqua



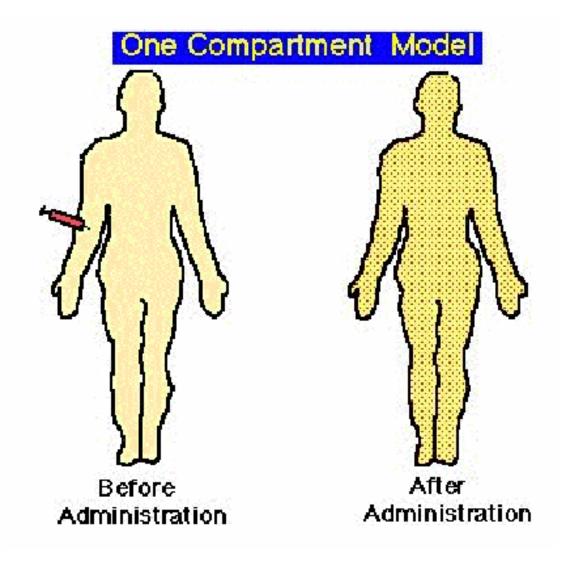
* Modelli compartimentali

- I modelli compartimentali traggono il loro nome dalla scomposizione del sistema in varie parti (compartimenti).
- Per compartimento si intende un insieme di materia che per l'organismo si comporta in maniera omogenea (sia dal punto di vista della distribuzione che del comportamento cinetico all'interno del compartimento).
- L'approccio prevede l'impiego di *n* variabili funzioni del tempo e legate da equazioni differenziali ordinarie.
- Tali equazioni vengono scritte a partire da un unico concetto base: il rispetto della conservazione della massa.

[†] I compartimenti

- I compartimenti sono volumi ideali, non necessariamente volumi reali, nei quali la sostanza (e il tracciante o il farmaco) entra, si distribuisce, esce.
- Un compartimento può essere un insieme di tessuti differenti che possiedono un'affinità per il farmaco e una perfusione sanguigna molto simile.
- Il **numero** di compartimenti si stabilisce in base alla differenza più o meno elevata che c'è tra una **costante di velocità** e l'altra. Il modello cinetico che ricorre più spesso e il più semplice è il modello mono- compartimentale aperto.

* Modello mono compartimentale



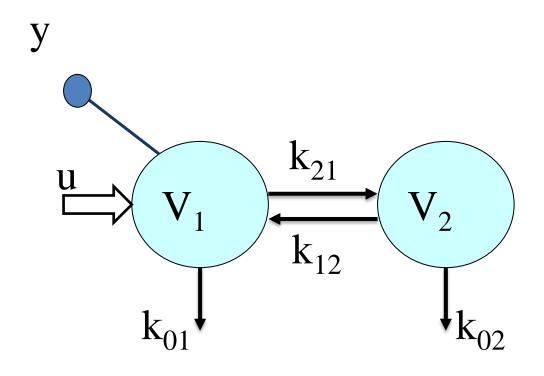
* Modello mono compartimentale

Assunzioni:

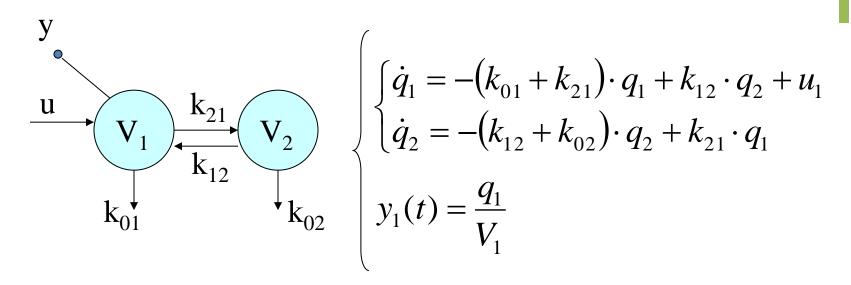
- Il corpo costituisce un unico processo
- Miscelamento istantaneo
 - Il tracciante (farmaco) si miscela istantaneamente nel sangue o nel plasma
 - Un compartimento
 - Il tracciante (farmaco) che si trova nel sangue (plasma) è in equilibrio rapido con il tracciante (farmaco) che si trova nei tessuti extravascolari.
- Modello lineare
 - L'eliminazione del farmaco segue una cinetica del primo ordine

MODELLO A DUE COMPARTIMENTI

* Modello a due compartimenti



Modello a due compartimenti



 k_{12} , k_{21} , k_{01} , k_{02} , V_1 incognite (V_2 non compare nelle equazioni)

For
$$u(t) = \delta(t)$$
, $y(t) = A_1 e^{\lambda_1 t} + A_2 e^{\lambda_2 t}$

† Funzione di trasferimento

 Nel dominio del tempo la relazione ingresso-uscita è data da:

$$y(t) = \int_{0}^{t} h(t - \tau)u(\tau)d\tau$$

• Usando le trasformate di Laplace, la relazione ingresso-uscita è data da:

$$Y(s) = H(s) \cdot U(s)$$

Metodo della matrice della funzione di trasferimento (1/3)

$$\frac{d\mathbf{q}}{dt} = \mathbf{A} \cdot \mathbf{q} + \mathbf{B} \cdot \mathbf{u}$$
$$\mathbf{y} = \mathbf{C} \cdot \mathbf{q}$$

$$\mathbf{H}(\mathbf{s}, \mathbf{p}) = \left[\frac{L[\mathbf{y}_{i}(\mathbf{t}, \mathbf{p})]}{L[\mathbf{u}_{j}(\mathbf{t})]}\right]_{\substack{i=1,m\\j=1,r}} = \mathbf{C}(\mathbf{p})[\mathbf{s}\mathbf{I} - \mathbf{A}(\mathbf{p})]^{-1}\mathbf{B}(\mathbf{p})$$

Metodo della matrice della funzione di trasferimento (2/3)

$$\begin{cases} \dot{q}_1 = -(k_{01} + k_{21}) \cdot q_1 + k_{12} \cdot q_2 + u_1 \\ \dot{q}_2 = -(k_{12} + k_{02}) \cdot q_2 + k_{21} \cdot q_1 \end{cases}$$

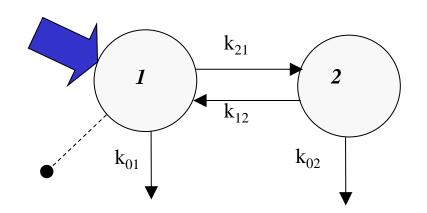
$$y_1(t) = \frac{q_1}{V_1}$$

$$\mathbf{A} = \begin{bmatrix} -(k_{01} + k_{21}) & k_{12} \\ k_{21} & -(k_{12} + k_{02}) \end{bmatrix}$$

$$\mathbf{B} = \begin{vmatrix} 1 \\ 0 \end{vmatrix}$$

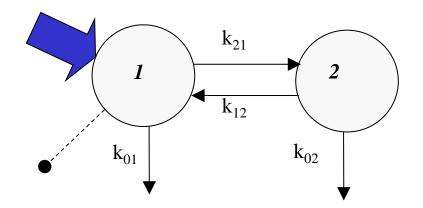
$$\mathbf{C} = \begin{bmatrix} \frac{1}{V_1} & 0 \end{bmatrix}$$

$$\frac{d\mathbf{q}}{dt} = \mathbf{A} \cdot \mathbf{q} + \mathbf{B} \cdot \mathbf{u}$$
$$\mathbf{y} = \mathbf{C} \cdot \mathbf{q}$$



Metodo della matrice della funzione di trasferimento (3/3)

```
k01=sym('k01','positive');
k21=sym('k21','positive');
k12=sym('k12','positive');
k02=sym('k02','positive');
vol=sym('vol','positive');
s=sym('s')
A = [-(k01+k21) k12]
    k21 - (k12+k02);
B = [1]
    01;
C=[1/vol 0];
H=C*inv(eye(2)*s-A)*B
%diff
%simplify
%pretty
%subs
%rank
```

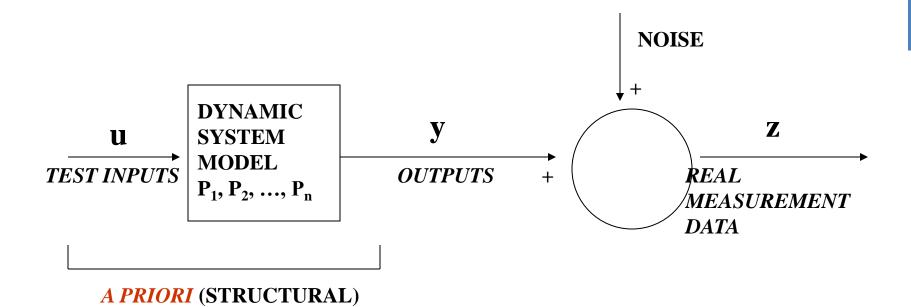


[†] Identificazione di un modello

Determinare:

- la struttura di un modello
- il valore numerico dei suoi parametri

[†] Identificabilità di un modello



A POSTERIORI (STRUCTURAL + NUMERICAL)

† Identificabilità a priori (1/5)

- Solo parametri che soddisfano certe condizioni possono essere determinati da dati di input/output.
- Il set di parametri può essere determinato qualche volta unicamente, qualche volta no.
- Problema di identificabilità:
 - determinare se è possibile trovare 1 o più set di soluzioni per i parametri ignoti del modello, da dati raccolti in esperimenti compiuti sul sistema reale.
 - Trovare dei range di validità per i parametri di modelli non identificabili

† Identificabilità a priori (2/5)

- L'analisi di Identificabilità è un passo preliminare nell'analisi del modello per la stima parametrica
- Da questa analisi si ottengono le condizioni minime necessari per ottenere stime uniche dai dati reali rumorosi e limitati.

† Identificabilità a priori (3/5)

- Scopo: stabilire per via teorica se, data la struttura del modello ed una certa configurazione di ingressi e uscite, è possibile risalire ai parametri incogniti del modello nel caso, puramente ideale, in cui il modello è senza errore e si conoscano esattamente le uscite a tempo continuo
- Razionale: solo se il modello è identificabile a priori ha senso cercare di stimare numericamente il valore dei suoi parametri dai dati sperimentali
- Rimedi alla non identificabilità a priori:
 - 1) arricchire l'esperimento, es. aggiungendo misure;
 - 2) ridurre la complessità del modello, es. riducendo il numero di compartimenti o di parametri o riparametrizzando il modello o aggiungendo dei vincoli.
- Importanza dell'identificabilità a priori nel progetto qualitativo dell'esperimento: es. minimo numero di ingressi ed uscite che garantiscono l'identificabilità

† Identificabilità a priori (4/5)

 NON dipende dai dati a posteriori, ma solo dalla struttura a priori del modello

 La natura aleatoria dei dati reali NON influisce su questi risultati † Identificabilità a priori (5/5)

NON IDENTIFICABILITA'

IDENTIFICABILITA' GENERICA

IDENTIFICABILITA' UNIVOCA

Non identificabilità

- Un parametro p_i si dice *NON* IDENTIFICABILE nell'intervallo [t₀,T] se esiste un numero INFINITO di soluzioni.
- Se un modello ha anche <u>un solo</u> parametro *NON IDENTIFICABILE*, allora <u>l'intera</u> <u>struttura</u> si dice *NON IDENTIFICABILE*.

† Identificabilità

- Un parametro p_i si dice *IDENTIFICABILE* nell'intervallo [t₀,T] se esiste un numero *FINITO* di soluzioni (diverse da quella identicamente nulla).
- Se <u>tutti</u> i parametri sono *IDENTIFICABILI*, allora <u>l'intera struttura</u> si dice *IDENTIFICABILE*.
- I parametri sono identificabili come range (bounds)

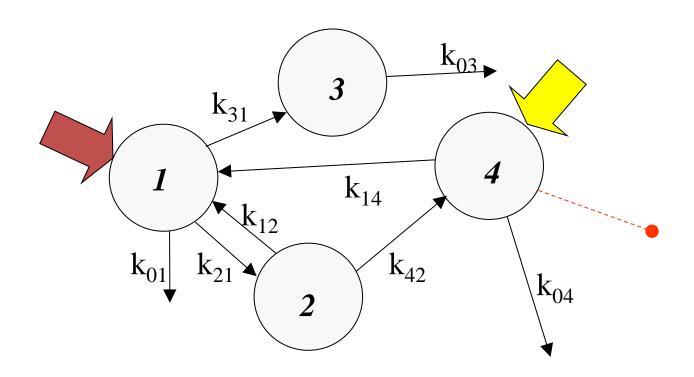
† Identificabilità univoca

- Un parametro p_i si dice *UNIVOCAMENTE IDENTIFICABILE* nell' intervallo [t₀,T] se esiste *UNA E UNA SOLA* soluzione.
- Se <u>tutti</u> i parametri sono *UNIVOCAMENTE IDENTIFICABILI*, allora <u>l'intera struttura</u> si dice *UNIVOCAMENTE IDENTIFICABILE*.
- Se anche <u>un solo</u> parametro non è
 <u>UNIVOCAMENTE IDENTIFICABILE</u>, allora
 <u>l'intera struttura</u> si dice <u>NON-UNIVOCAMENTE</u>

 IDENTIFICABILE.

Condizioni necessarie per l'identificabilità

il sistema dev'essere "input-" e "output-connectable" (OGNI COMPARTIMENTO E' RAGGIUNGIBILE DA ALMENO UN INPUT ED E' COLLEGATO AD ALMENO UN OUTPUT)



METODO DELLA MATRICE DELLA FUNZIONE DI TRASFERIMENTO

$$\mathbf{G}(\mathbf{p}) = \begin{bmatrix} \frac{\partial \rho_1}{\partial p_1} & \cdots & \frac{\partial \rho_1}{\partial p_p} \\ \vdots & & \vdots \\ \frac{\partial \alpha_n^{11}}{\partial p_1} & \cdots & \frac{\partial \alpha_n^{11}}{\partial p_p} \\ \vdots & & \vdots \\ \frac{\partial \beta_1^{mr}}{\partial p_1} & \cdots & \frac{\partial \beta_1^{mr}}{\partial p_p} \\ \vdots & & \vdots \\ \frac{\partial \alpha_n^{mr}}{\partial p_1} & \cdots & \frac{\partial \alpha_n^{mr}}{\partial p_p} \end{bmatrix}$$

2nxmxrxp derivate

Il modello è identificabile **se e solo se** IL RANGO DELLA MATRICE G(**p**) è uguale a p per ogni possibile valore del vettore **p**.

n = numero compartimeniir = numero inputm = numero outputp = numero parametri

* Riepilogo

La funzione di trasferimento H(s) è sempre un **rapporto di polinomi**:

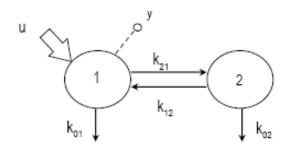
$$H(s) = \frac{\beta_n s^{n-1} + \beta_{n-1} s^{n-2} + ... + \beta_2 s + \beta_1}{s^n + \alpha_n s^{n-1} + ... + \alpha_2 s + \alpha_1}$$

IDEA PER VALUTARE L'IDENTIFICABILITA' A PRIORI

- •i coefficienti α_k e β_k sono funzioni (in generale non lineari) dei parametri del modello, k_{ij} e V_i .
- •Y(s) e U(s) possono essere pensate note (U(s) è decisa dallo sperimentatore, mentre Y(s) è determinabile dalla misura). Pertanto i coefficienti α_k e β_k possono essere pensati come parametri osservabili
- •Si può scrivere l'insieme delle relazioni algebriche che legano gli α_k e β_k con i k_{ij} e V_i . Se questo insieme di relazioni, che si dice *sommario esaustivo*, è risolubile nelle incognite k_{ij} e V_i , allora il modello è *a priori* identificabile

+

Modello non identificabile



$$p = [\ k_{01}, \ k_{02} \ \ k_{12}, \ k_{21}, \ V_1]^T$$

Funzione di trasferimento u(t) - y(t)

$$H(s) = \frac{Y(s)}{U(s)} = \frac{\left(s + k_{12} + k_{02}\right) / V_1}{s^2 + \left(k_{12} + k_{21} + k_{01} + k_{02}\right) s + k_{21} k_{02} + k_{12} k_{01} + k_{01} k_{02}} = \frac{\beta_2 \, s + \beta_1}{s^2 + \alpha_2 \, s + \alpha_1}$$

Sommario esaustivo

$\begin{cases} \beta_1 = \frac{k_{12} + k_{02}}{V_1} \\ \beta_2 = \frac{1}{V_1} \end{cases}$ $\alpha_1 = k_{21} k_{02} + k_{12} k_{01} + k_{01} k_{02} = k_{21} k_{02} + \beta_1 \frac{k_{01}}{\beta_2}$ $\alpha_2 = k_{12} + k_{21} + k_{01} + k_{02} = k_{21} + k_{01} + \frac{\beta_1}{\beta_2}$

Soluzioni

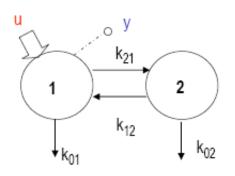
$$\begin{cases} V_1 = 1/\beta_2 \\ k_{12} + k_{02} = \beta_1/\beta_2 \\ k_{21} + k_{01} = \alpha_2 - \beta_1/\beta_2 \\ k_{21}k_{12} = (\alpha_2 - \beta_1/\beta_2)\beta_1/\beta_2 - \alpha_1 \end{cases}$$

V₁: univocamente identificabile; k₀₁, k₁₂, k₂₁, k₀₂: infinite soluzioni

modello non identificabile

oss: k₁₂ k₂₁; k₁₂+ k₀₂; k₂₁+ k₀₁ univocamente identificabili (parametrizzazione univocamente identificabile)

Rimedi alla non identificabilità a priori (1/5)

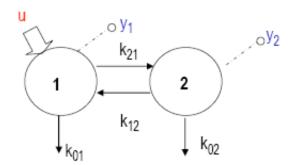


Questo modello non è identificabile

$$y(t) = g(t, k_{01}, k_{12}, k_{21}, k_{02}, V_1)$$

5 parametri da 1 segnale

Rimedio 1: arricchire l'esperimento, ad es. aggiungendo un sito di misura

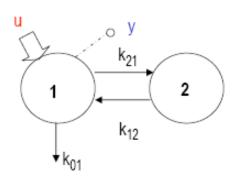


$$y_1(t) = g_1(t, k_{01}, k_{12}, k_{21}, k_{02}, V_1)$$

$$y_{2}(t) = g_{2}(t, k_{01}, k_{12}, k_{21}, k_{02}, V_{2})$$

6 parametri da 2 segnali

Rimedi alla non identificabilità a priori (2/5)



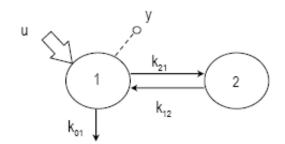
$$y(t) = g_1(t, k_{01}, k_{12}, k_{21}, V_1)$$

4 parametri da 1 segnale

Osservazioni:

- Importanza dell'identificabilità a priori nel progetto qualitativo dell'esperimento: es.
 minimo numero di ingressi ed uscite che garantiscono l'identificabilità
- Il modello che si utilizza realizza spesso un compromesso tra realtà fisiologica e proprietà di identificazione

Rimedi alla non identificabilità a priori (3/5)



$$p = [\ k_{01},\ k_{12},\ k_{21},\ V_1]^T$$

Funzione di trasferimento u(t)-y(t)

$$H(s) = \frac{Y(s)}{U(s)} = \frac{(s + k_{12})/V_1}{s^2 + (k_{12} + k_{21} + k_{01})s + k_{12} k_{01}} = \frac{\beta_2 s + \beta_1}{s^2 + \alpha_2 s + \alpha_1}$$

Sommario esaustivo

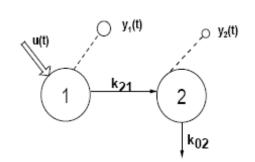
$$\begin{cases} \beta_1 = \frac{k_{12}}{V_1} \\ \beta_2 = \frac{1}{V_1} \\ \alpha_1 = k_{12} k_{01} \\ \alpha_2 = k_{12} + k_{21} + k_{01} \end{cases}$$

Soluzioni

$$\begin{cases} V_1 = \frac{1}{\beta_2} \\ k_{12} = \beta_1 V_1 \\ k_{01} = \alpha_1 / k_{12} \\ k_{22} = \alpha_2 - k_{12} - k_0 \end{cases}$$



Rimedi alla non identificabilità a priori (4/5)



Alla conoscenza della funzione di trasferimento (vd. prima)

$$H_{21}(s) = \frac{Y_2(s)}{U(s)} = \frac{k_{21}/V_2}{s^2 + (k_{02} + k_{21})s + k_{02}k_{21}} = \frac{\beta_1}{s^2 + \alpha_2 s + \alpha_1}$$

che già avevamo, aggiungiamo

$$H_{11}(s) = \frac{Y_1(s)}{U(s)} = \frac{1/V_1}{s + k_{21}} = \frac{\beta^*_1}{s + \alpha^*_1}$$

Rimedi alla non identificabilità a priori (5/5)

$$\beta = \frac{k_{21}}{V_2}$$

$$\alpha_2 = k_{02} + k_{21}$$

$$\alpha_1 = k_{02}k_{21}$$

$$\alpha^*_1 = k_{21}$$

$$\beta^*_1 = \frac{1}{V_1}$$

```
k21 = sym('k21');
k02 = sym('k02');
vol=sym('vol');
a1=sym('a1');
a2 = sym('a2');
b=sym('b');
S = solve(k21+k02-a2, ...
       k21*k02-a1,b*vol/k21-1, ...
       k21, k02, vol)
pretty(S.k02);
pretty(S.k21);
pretty(S.vol);
```

IDENTIFICABILITÀ A POSTERIORI

† Identificabilità a posteriori

- Identificabilità a priori: esperimento "ideale"
- Esperimento reale: raccolta di dati sperimentali
 - $-y_1, y_2,...,y_n$ in corrispondenza delle variabili $x_1, x_2,...,x_n$ ($t_1, t_2,...,t_n$)
- Ad ogni dato sperimentale è associato un errore sperimentale: σ_1 , σ_2 , ..., σ_n

* Stima dei parametri

- Una volta verificato che il modello è univocamente identificabile a priori a partire dai dati "ideali" che l'esperimento potrebbe generare, il problema che si pone è quello di stimare i valori numerici dei parametri a partire dalle misure effettivamente fornite dall'esperimento.
- Nella realtà i dati generati dall'esperimento sono affetti da rumore. Per poter valutare la precisione delle stime dei parametri, è perciò richiesta una descrizione formale dell'errore di misura.
- Questa descrizione caratterizza tutto il processo di stima ed è strettamente legata alle proprietà statistiche delle stime ottenute.

* Esempio di stima

- Metodo dei minimi quadrati
- Considera le differenze tra il valore misurato e quello previsto dal modello (residui) per il tipo di esperimento condotto

$$SSWR = \sum_{i=1}^{n} \left[\frac{y_i - f(t_i, p_1, ..., p_p)}{\sigma_i} \right]^2$$

- SSWR=Squared sums of the weighted residuals (objective function) = somma dei quadrati dei residui pesati.
- σ è l'errore di misura, che va a pesare i dati

* Valutazione della bontà del fitting

Esempi:

- Runs test
- Nel caso dell'analisi compartimentale, sono stati sviluppati degli indicatori appositi che permettono di confrontare tra loro strutture compartimentali "concorrenti":
 - AIC (Akaike Information Criterion): $N \cdot ln(SSR_{min}) + 2p$
 - SC (Schwarz Criterion): N·In(SSR_{min}/N)+p·In(N)
 - dove N il numero di dati sperimentali, e P il numero di parametri da stimare, e SSR la squared sum of residuals